

**Zákazník:** Kateřina Čudková, Lažany 32, 67922 Lažany, Czech Republic

**Vyšetřovaný:**

Vzorek: 20-14701

Datum přijetí vzorku: 08.06.2020

Vyšetřovaný materiál: krev

Údaje poskytnuté zákazníkem

**Jméno:** Badys Bekannie

**Rasa:** Jezevčík standardní dlouhosrstý

Tetovací číslo: 96328

Mikročip: 953 010 001 989 346

Registrační číslo: ČLP/J/96328/19

Datum narození: 25.02.2018

Pohlaví: samec

Datum odběru: 06.06.2020

Při odběru byla ověřena identita jedince.

Ověřil/a MVDr. Jindřich Nešpor, KVL4244

Výsledek: m/m

**Komentář k výsledku**

m - normální alela bez merle

M - merle alela, v závorce je uveden přibližný počet T v polyT sekvenci - čím delší sekvence, tím výraznější merle fenotyp.

Míru projevu merle lze vyjádřit:

- délka polyT sekvence cca 35-62 T - cryptic merle (Mc)
- délka polyT sekvence cca 63-73 T - dilution merle (Md)
- délka polyT sekvence cca 74-85 T - merle (M)
- délka polyT sekvence cca 86 a více T - harlekýn (Mh)

Pes může být merle mozaika, tzn. může nést několik typů merle alel ve svých buňkách. Ve výsledku je uvedena nejdelší zjištěná alela v testovaném vzorku. Mezigeneračně může dojít ke zkrácení nebo prodloužení merle alely.

Obecně není vhodné spolu křížit psy s merle alelami z důvodu zdravotních rizik.

Metoda: SOP176-merle, fragmentační analýza

Datum vystavení zprávy: 15.06.2020

Datum provedení zkoušky: 08.06.2020 - 15.06.2020

Schválila: Mgr. Martina Šafrová, vedoucí laboratoře



Genomia s.r.o, Republikánská 6, 31200 Plzeň, Czech Republic  
www.genomia.cz, laborator@genomia.cz, tel: +420 373 749 999

Kód pro ověření zprávy je MC2W-FYQN-1MC8-KFRM-XQTN. Jděte na www.genomia.cz pro ověření.

Zpráva o výsledku zkoušky nesmí být bez souhlasu laboratoře reprodukována jinak než celá.

Výsledek se vztahuje pouze ke vzorku tak jak byl přijat. Genomia neodpovídá za správnost údajů poskytnutých zákazníkem.